

# Ανάπτυξη και αξιολόγηση καινοτόμων προσεγγίσεων για τον χαρακτηρισμό νέων ιϊκών βιοδεικτών στη λοίμωξη από Ηπατίτιδα Β και για την μελέτη της ετερογένειας των σχετιζόμενων επιδημιών

## ΠΕΡΙΛΗΨΗ

Η ιογενής ηπατίτιδα Β (HBV) είναι και θα παραμείνει για τα επόμενα 30 χρόνια μείζον ζήτημα δημόσιας υγείας σε παγκόσμια κλίμακα με περίπου 700.000 θανάτους ετησίως από επιπλοκές της ηπατικής νόσου, σύμφωνα με τον Π.Ο.Υ και παρά το γεγονός ότι υπάρχει αποτελεσματικό εμβόλιο καθώς και μακροχρόνια κατασταλτική θεραπεία. Καθίσταται λοιπόν, επιτακτική η ανάγκη για την ανάπτυξη και αξιολόγηση νέων ιϊκών βιοδεικτών, όπως το προγενομικό RNA (pgRNA) και η ιϊκή πρωτεΐνη X (HBx), προκειμένου να βελτιωθούν οι διαθέσιμες θεραπευτικές προσεγγίσεις ή/και να επιτευχθεί η πλήρης ίαση των χρόνιων φορέων του ιού. Στα πλαίσια της παρούσας διδακτορικής διατριβής, θα αναπτυχθούν καινοτόμες προσεγγίσεις για τον χαρακτηρισμό των νεοεμφανιζόμενων ιολογιών δεικτών, όπως το pgRNA και η HBx, και θα μελετηθεί η ικανότητα τους να κατευθύνουν τις κλινικές πρακτικές και να βελτιώσουν τις υπάρχουσες θεραπευτικές στρατηγικές. Η συγκεκριμένη έρευνα θα πραγματοποιηθεί σε ομάδα χρόνιων φορέων της HBV λοίμωξης. Επιπροσθέτως, θα διερευνηθεί η επίδραση της γενετικής ετερογένειας του ιού της ηπατίτιδας Β στην κλινική εικόνα. Για να επιτευχθούν οι ερευνητικοί στόχοι, θα εφαρμοστούν προηγμένες μεθοδολογίες αλληλούχισης - πλήρης αλληλούχιση γονιδιώματος (Full Genome Sequencing; FGS) και αλληλούχιση νέας γενιάς (Next Generation Sequencing-NGS), προκειμένου να χαρακτηριστούν τα πρότυπα διασποράς της HBV επιδημίας, καθώς και να διερευνησουμε την επίδραση της γενετικής ετερογένειας στην έκβαση της χρόνιας ιογενούς ηπατίτιδας. Η συγκεκριμένη διδακτορική διατριβή προτείνει τη διεξαγωγή προηγμένης έρευνας στον τομέα της γονιδιωματικής των ιών και των ιογενών αιματογενώς μεταδιδόμενων λοιμωδών νοσημάτων, καθώς θα αναπτυχθούν και θα εφαρμοστούν καινοτόμες προσεγγίσεις και μεθοδολογίες.